

# Les manipulateurs de France Info ont vu la chatte à la voisine dans le génome de Covid-19

écrit par Raoul Girodet | 18 avril 2020



## ***La toucher, la toucher, la chatte à la voisine...***

France Info ne cessera de m'étonner.

Le professeur Montagnier a donc fait très récemment une déclaration choc : le Covid-19 contient dans son génome une séquence du virus du Sida.

Dans un article à charge, France Info s'empresse de démolir cette thèse, sous le titre :

« *La Cellule Vrai du faux de Franceinfo vous explique.* »

Car vous l'aurez compris, France Info détient la Vérité. Vous avez un doute ? On vous EX-PLI-QUE !

Et cet article est un monument de désinformation.

En effet, le professeur Montagnier a affirmé clairement et sans ambiguïté que la présence d'une séquence du VIH dans le Covid 19 ne pouvait pas être le fruit du hasard, mais uniquement le résultat d'une manipulation humaine.

Or, la présentation même des paroles du professeur est plus que tendancieuse. Selon France Info :

*« Le professeur Luc Montagnier émet l'hypothèse selon laquelle le nouveau coronavirus SARS-CoV-2 ne serait pas d'origine animale, mais aurait été créé en laboratoire »*

*« Luc Montagnier laisse entendre que le SARS-CoV-2 serait une création humaine ».*

Non *« il n'émet pas d'hypothèse »*, ou ne *« laisse pas entendre »*, il l'affirme.

Désolé !

Ensuite, France Info, qui manifestement a consulté des « spécialistes » explique doctement que :

*« la séquence du virus est une suite d'acides nucléiques de base, c'est 30 000 lettres différentes qui se suivent ».* Cela représente *« à peu près 30 pages d'un livre par exemple »*

*(les chercheurs) se sont aperçus qu'il y avait des groupes de trois ou quatre lettres en commun. C'est comme si dans un roman il y a écrit le mot 'chat' et dans un autre roman il y a également écrit le mot 'chat', parmi des dizaines de milliers de mots »,*

*« Statistiquement il y a forcément des homologies, mais cela n'a aucune valeur, c'est juste dû au hasard ».*

## **Tout faux, ou presque.**

Certes, le Covid 19 est un virus monocaténaire composé de 30.000 nucléotides.

Mais ces nucléotides, les « lettres » de l'ARN ne sont pas au nombre des 26 de l'alphabet comme le laisserait entendre France Info (ou 42 si on compte des diacritiques), mais de 4 seulement (GTAC, pour Guanine, Thymine, Adénine et Cytosine).

Alors bien sûr si on les appelait ACHT, il y aurait un sacré

paquet de chances pour que l'on retrouve une séquence, voire des milliers de séquences communes contenant « CHAT ».

Je suppose que ceci n'aurait probablement pas échappé à un généticien prix Nobel de Médecine s'appuyant sur les travaux du biomathématicien Jean-Claude Perez qui « *a fouillé dans les moindres détails de la séquence* ». Peut-être aurait-il réalisé que « *c'était juste dû au hasard* », non ?

Pour que des chercheurs aussi éminents s'engagent, il faudrait, contrairement à ce que prétend France Info que la séquence commune soit probablement un peu plus longue que « CHAT ».

Pour me mettre au niveau du journaliste scientifique journaliste de la cellule « le Vrai du Faux », je lui laisserai entendre qu'un prix Nobel, même un peu âgé, ne se serait pas mouillé si la séquence commune n'était pas au moins de la longueur de la chansonnette de Franky Vincent:

- *Toi qui voulais*
- *Toi qui voulais*
- *Toi qui voulais toucher*
- *Toucher la chatte à la voisine*
- *Oh oh oh oh oh oh*

Bouffon, va!